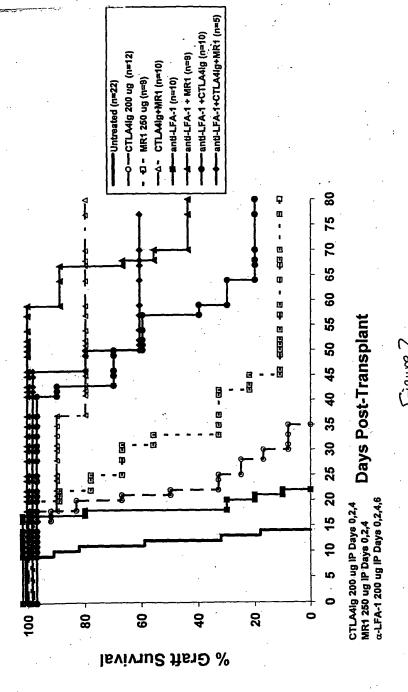
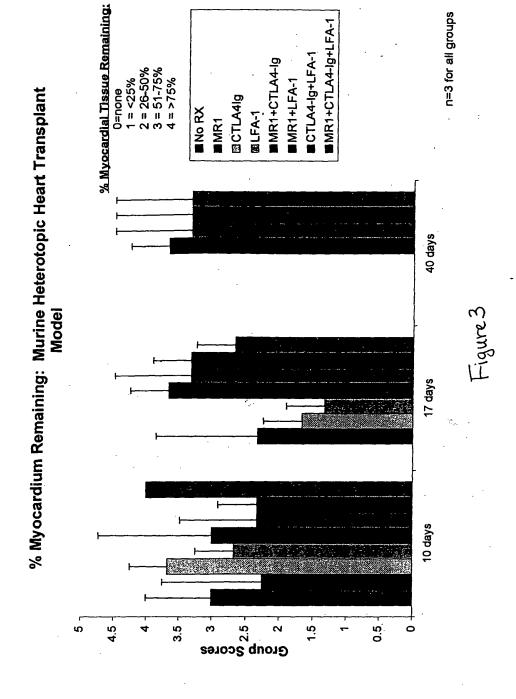
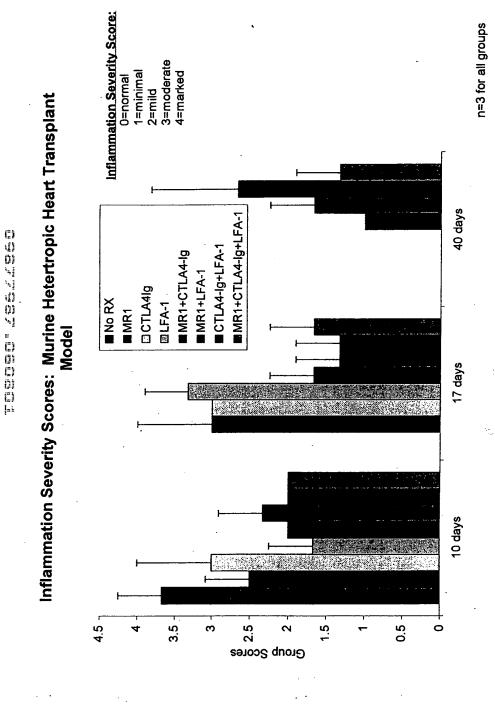


Effect of CTLA4-Ig, MR1 and $\alpha\text{-LFA-1}$ on Heart Graft Rejection Rates B6->BALB/c







PRINT OF DRAWINGS AS ORIGINALLY

MANAGET GCT CAGTCT GGT CCTTGCACTCCTGTTTCCA -19 AGCATGGCGAGCATGCAATGCACGTGGCCCAGCCTGCTGTGGTACTGGCCAGCAGCCGA +42 S--M--A--S--M--A--M--H--V--A--Q--P--A--V--V--L--A--S--S--R--+14 GGCATCGCTAGCTTTGTGTGAGTATGCATCTCCAGGCAAAGCCACTGAGGTCCGGGTG +102 G--I--A--S--P--V--C--E--Y--A--S--P--G--K--A--T--E--V--R--V--+34 ACAGTGCTTCGGCAGGCTGACAGCCAGGTGACTGAAGTCTGTGCGGCAACCTACATGATG +162 T--V--L--R--Q--A--D--S--Q--V--T--E--V--C--A--A--T--Y--M--M--+54 GGGAATGAGTTGACCTTCCTAGATGATTCCATCTGCACGGGCACCTCCAGTGGAAATCAA +222 G--N--E--L--T--F--L--D--D--S--I--C--T--G--T--S--S--G--N--Q--+74 GTGAACCTCACTATCCAAGGACTGAGGGCCATGGACACGGGACTCTACATCTGCAAGGTG +282 V--N--L--T--I--Q--G--L--R--A--M--D--T--G--L--Y--I--C--K--V--+94 GAGCTCATGTACCCACCGCCATACTACCTGGGCATAGGCAACGGAACCCAGATTTATGTA +342 E--L--M--Y--P--P--Y--Y--Y--L--G--I--G--N--G--T--Q--I--Y--V--+114 ATTGATCCAGAACCGTGCCCAGATTCTGATCAGGAGCCCAAATCTTCTGACAAAACTCAC +402 I--D--P--E--P--C--P--D--S--D--Q--E--P--K--S--S--D--K--T--H--+134 ACATCCCCACCGTCCCCAGCACCTGAACTCCTGGGTGGATCGTCAGTCTTCCTCTTCCCC +462 T--S--P--P--S--P--A--P--E--L--L--G--G--S--S--V--F--L--F--P--+154 CCAAAACCCAAGGACACCCTCATGATCTCCCGGACCCCTGAGGTCACATGCGTGGTG +522 P--K--P--K--D--T--L--M--I--S--R--T--P--E--V--T--C--V--V--V--+174 GACGTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGTACGTGGACGCGTGGAGGTG +582 D~~V~~S~~H~~E~~D~~P~~E~~V~~K~~F~~N~~W~~Y~~V~~D~~G~~V~~E~~V~~ +194 CATAATGCCAAGACAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAACAGCACGTACCGGGTGGTCAGC +642 H--N--A--K--T--K--P--R--E--E--Q--Y--N--S--T--Y--R--V--V--S--+214 GTCCTCACCGTCCTGCACCAGGACTGCCTGAATGCCAAGGACTACAAGTCCAAGGTCTCC +702 V-~L~~T~~V~~L~~H~~O~~D~~W~~L~~N~~G~~K~~E~~Y~~K~~C~~K~~V~~S~~ +234 AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCATCGAGAAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA +762 N--K--A--L--P--A--P--I--E--K--T--I--S--K--A--K--G--Q--P--R--+254 GAACCACAGGTGTACACCCTGCCCCCATCCCGGGATGAGCTGACCAAGAACCAGGTCAGC +822 E--P--Q--V--Y--T--L--P--P--S--R--D--E--L--T--K--N--Q--V--S--+274 CTGACCTGCCTGGTCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGGGAGGAAT +882 L--T--C--L--V--K--G--F--Y--P--S--D--I--A--V--B--W--E--S--N--+294 GGGCAGCCGGAGAACAACTACAAGACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCCGACGGCTCCTTC +942 G--Q--P--E--N--N--Y--K--T--T--P--P--V--L--D--S--D--G--S--F--+314 TTCCTCTACAGCAAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA +1002 F--L--Y--S--K--L--T--V--D--K--S--R--W--Q--Q--G--N--V--F--S--_ +334 TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGCACAACCACTACACGCAGAAGAGCCTCTCCCTGTCT C--S--V--M--H--E--A--L--H--N--H--Y--T--Q--K--S--L--S--L--S--+354

CCGGGTAAATGA

P~~G~~K~~*

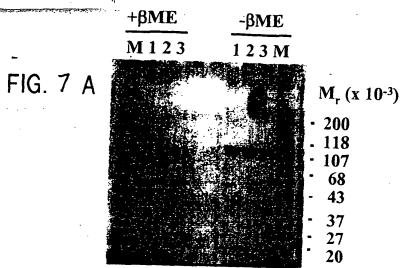
PRINT OF DRAWINGS

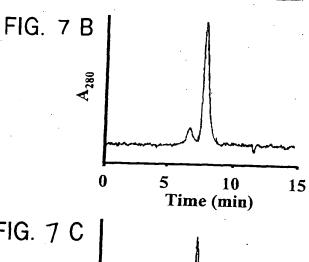
PTGCTCAGTCTGGTCCT:GCACTCCTGTTTCCA -19 -7 AGCATGGCGAGCATGCAATGCACGTGGCCCAGCCTGCTGTGGTACTGGCCAGCAGCCGA +42 S--N--A--S--M--A--M--H--V--A--Q--P--A--V--V--L--A--S--S--R--+14 +1 GGCATCGCTAGCTTTGTGTGTGAGTATGCATCTCCAGGCAAATATACTGAGGTCCGGGTG +102 G--I--A--S--F--V--C--B--Y--A--S--P--G--K--Y--T--E--V--R--V--+34 ACAGTGCTTCGGCAGGCTGACAGCCAGGTGACTGAAGTCTGTGCGGCAACCTACATGATG +162 T--V--L--R--Q--A--D--S--Q--V--T--E--V--C--A--A--T--Y--M--M--+54 GGGAATGAGTTGACCTTCCTAGATGATTCCATCTGCACGGGCACCTCCAGTGGAAATCAA +222 G--N--B--L--T--F--L--D--D--S--I--C--T--G--T--S--S--G--N--Q--GTGAACCTCACTATCCAAGGACTGAGGGCCATGGACACGGGACTCTACATCTGCAAGGTG +282 V--N--L--T--I--Q--G--L--R--A--M--D--T--G--L--Y--I--C--K--V--+94 GAGCTCATGTACCCACCGCCATACTACGAGGGCATAGGCAACGGAACCCAGATTTATGTA +342 E--L--M--Y--P--P--Y--Y--E--G--I--G--N--G--T--Q--I--Y--V--+114 ATTGATCCAGAACCGTGCCCAGATTCTGATCAGGAGCCCAAATCTTCTGACAAAACTCAC +402 I--D--P--E--P--C--P--D--S--D--Q--E--P--K--S--S--D--K--T--H--+134 ACATCCCCACCGTCCCCAGCACCTGAACTCCTGGGGGGATCGTCAGTCTTCCTCTTCCCC +462 T--S--P--P--S--P--A--P--E--L--G--G--S--S--V--F--L--F--P--CCAAAACCCAAGGACACCTCATGATCTCCCGGACCCCTGAGGTCACATGCGTGGTGGTG +522 P~~K~~P~~K~~D~~T~~L~~M~~I~~S~~R~~T~~P~~E~~V~~T~~C~~V~~V~~V~~V~~ +174 GACGTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGTACGTGGACGGCGTGGAGGTG +582 D--V--S--H--E--D--P--E--V--K--F--N--W--Y--V--D--G--V--E--V--+194 +642 CATAATGCCAAGACAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAACAGCACGTACCGTGTGGTCAGC H--N--A--K--T--K--P--R--E--E--Q--Y--N--S--T--Y--R--V--V--S--GTCCTCACCGTCCTGCACCAGGACTGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTGCAAGGTCTCC +702 V--L--T--V--L--H--Q--D--W--L--N--G--K--E--Y--K--C--K--V--S--+234 AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCATCGAGAAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA +762 N--K--A--L--P--A--P--I--E--K--T--I--S--K--A--K--G--O--P--R--+254 GAACCACAGGTGTACACCCTGCCCCCATCCCGGGATGAGCTGACCAAGAACCAGGTCAGC +822 E--P--Q--V--Y--T--L--P--P--S--R--D--E--L--T--K--N--Q--V--S--+274 CTGACCTGCTGGTCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT +882 L--T--C--L--V--K--G--F--Y--P--S--D--I--A--V--E--W--E--S--N--GGGCAGCCGGAGAACAACTACAAGACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCCGACGGCTCCTTC +942 G--Q--P--E--N--N--Y--K--T--T--P--P--V--L--D--S--D--G--S--F--TTCCTCTACAGCAAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA +1002 F--L--Y--S--K--L--T--V--D--K--S--R--W--Q--Q--G--N--V--F--S--TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGCACAACCACTACACGCAGAAGAGCCTCTCCCTGTCT +1062 C--S--V--M--H--E--A--L--H--N--H--Y--T--Q--K--S--L--S--L--S--+354

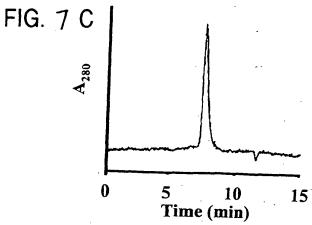
CCGGGTAAATGA P--G--K--*

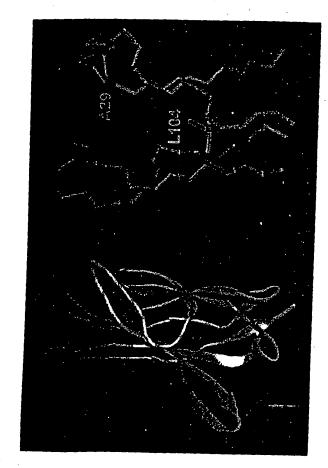
FIG. 6

1000

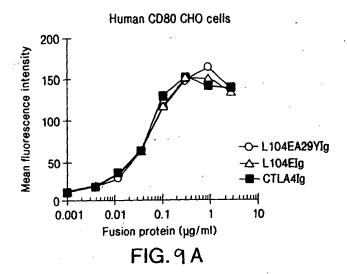


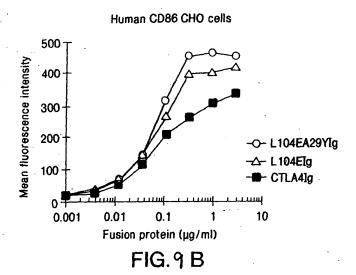


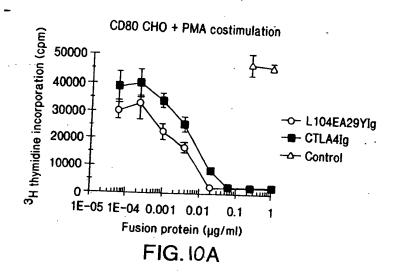


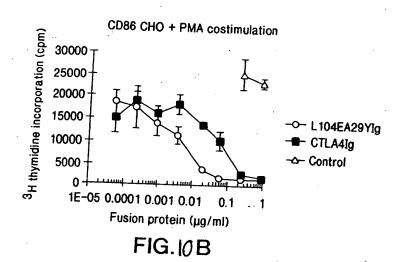


3.5









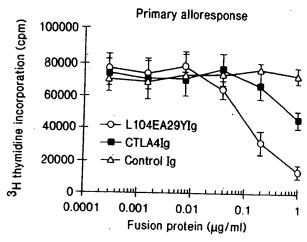


FIG.IIA

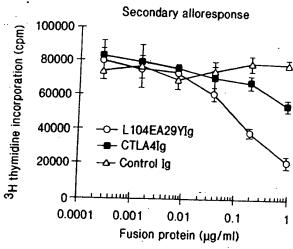


FIG. II B

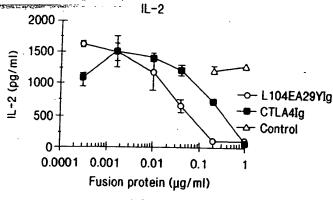


FIG. 12A

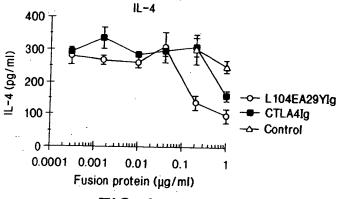


FIG. 12 B

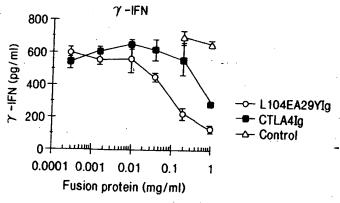


FIG.12C

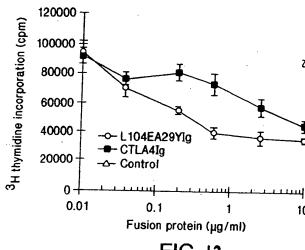


FIG. 13